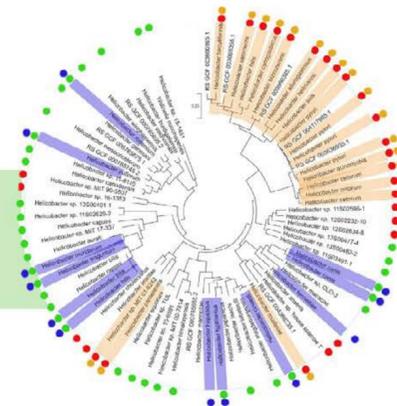


Resistenza antibiotica dell'*Helicobacter pylori*:
 aspetti molecolari



Dr. Grazia GALEANO, PhD
 UOS Disturbi Funzionali,
 IRCCS S. De Bellis, Castellana Grotte
 grazia.galeano@irccsdebellis.it

istituto nazionale
 di gastroenterologia
 de Bellis - Castellana Grotte IRCCS

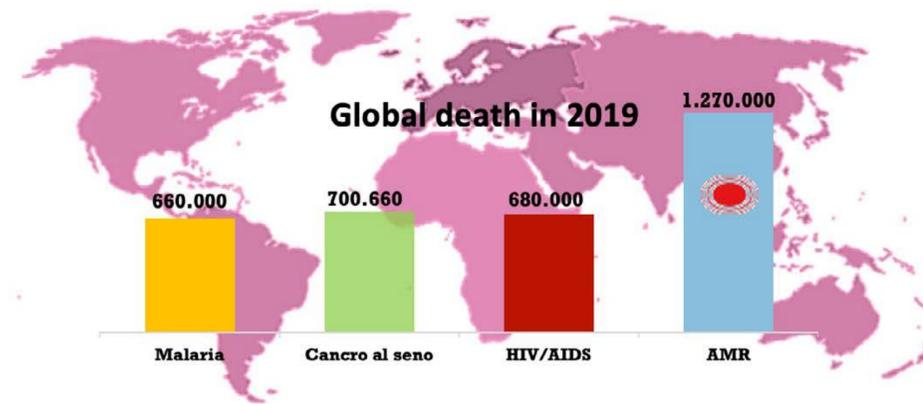
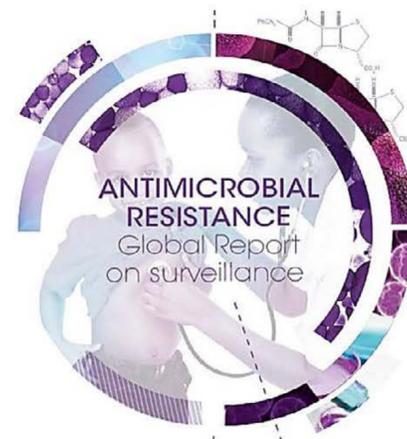
#ForumRisk18



www.forumriskmanagement.it

Antimicrobial resistance is a global crisis. There is no time to wait. 

La resistenza antimicrobica è una delle principali cause di morte in tutto il mondo, con la mortalità più alta in contesti con scarse risorse.



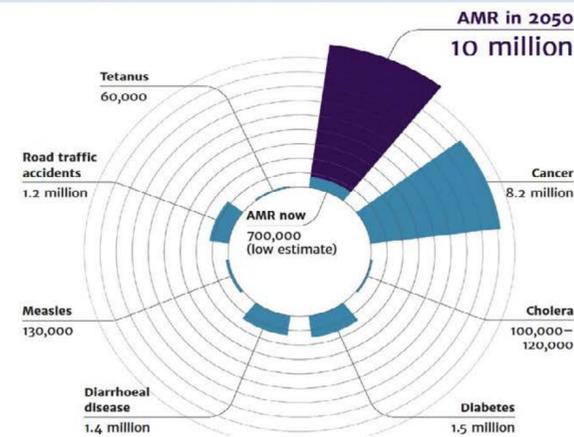
Global burden of bacterial antimicrobial resistance in 2019: a systematic analysis, *The Lancet*, Jan 2022

#ForumRisk18



www.forumriskmanagement.it

Senza misure preventive, si stima che entro il 2050 la resistenza agli antimicrobici potrebbe causare 10 milioni di morti ogni anno e perdite economiche di 100 trilioni di dollari. Il bilancio delle vittime potrebbe essere 1 ogni 3 secondi.

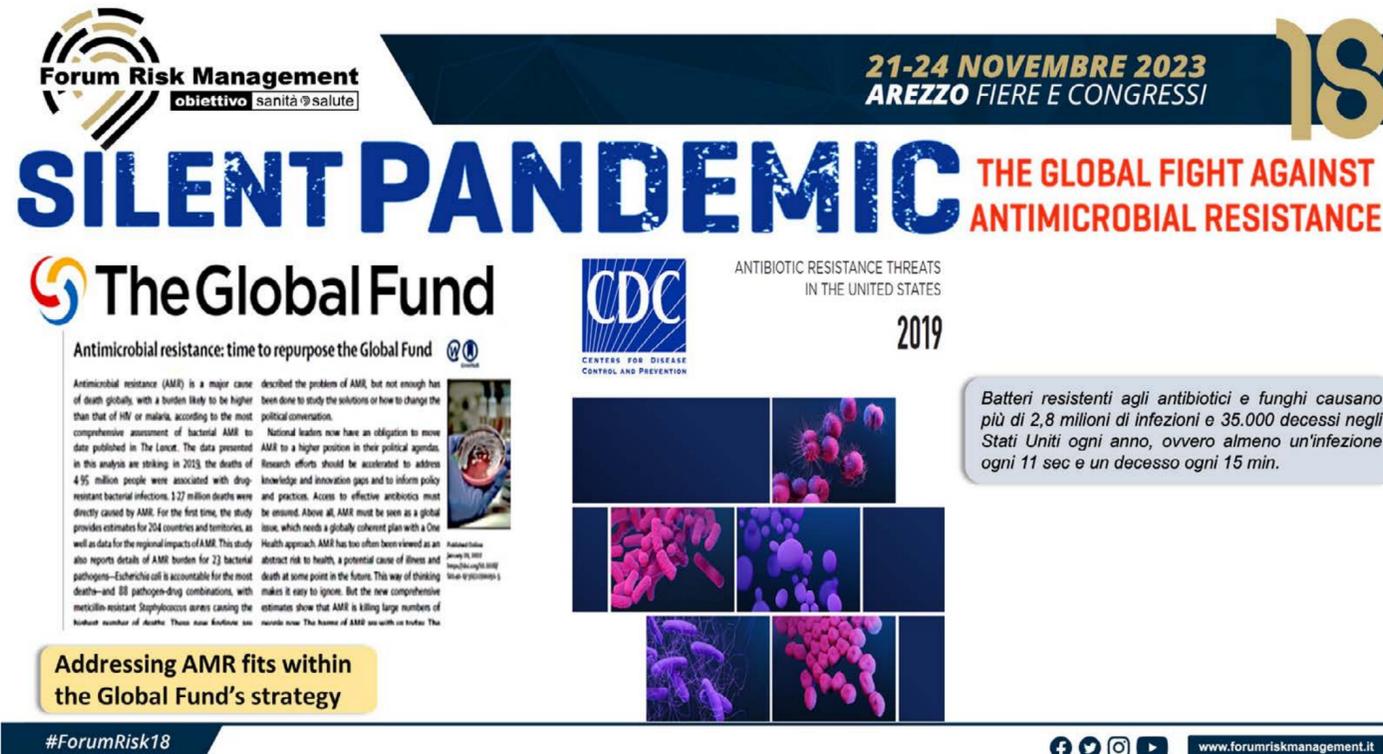


AMR: 24 milioni di persone rischiano la povertà nel 2030

#ForumRisk18



www.forumriskmanagement.it



Forum Risk Management
obiettivo sanità & salute

21-24 NOVEMBRE 2023
AREZZO FIERE E CONGRESSI

18

SILENT PANDEMIC

THE GLOBAL FIGHT AGAINST
 ANTIMICROBIAL RESISTANCE

The Global Fund

Antimicrobial resistance: time to repurpose the Global Fund

Antimicrobial resistance (AMR) is a major cause of death globally, with a burden likely to be higher than that of HIV or malaria, according to the most comprehensive assessment of bacterial AMR to date published in *The Lancet*. The data presented in this analysis are striking: in 2019, the deaths of 4.95 million people were associated with drug-resistant bacterial infections. 1.27 million deaths were directly caused by AMR. For the first time, the study provides estimates for 204 countries and territories, as well as data for the regional impacts of AMR. This study also reports details of AMR burden for 22 bacterial pathogens—*Escherichia coli* is accountable for the most deaths—and 88 pathogen-drug combinations, with methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* causing the highest number of deaths. These new findings described the problem of AMR, but not enough has been done to study the solutions or how to change the political conversation. National leaders now have an obligation to move AMR to a higher position in their political agendas. Research efforts should be accelerated to address knowledge and innovation gaps and to inform policy and practice. Access to effective antibiotics must be ensured. Above all, AMR must be seen as a global issue, which needs a globally coherent plan with a One Health approach. AMR has too often been viewed as an abstract risk to health, a potential cause of illness and death at some point in the future. This way of thinking makes it easy to ignore. But the new comprehensive estimates show that AMR is killing large numbers of people now. The burden of AMR is with us today. The

CDC
 CENTERS FOR DISEASE CONTROL AND PREVENTION

ANTIBIOTIC RESISTANCE THREATS
 IN THE UNITED STATES
 2019

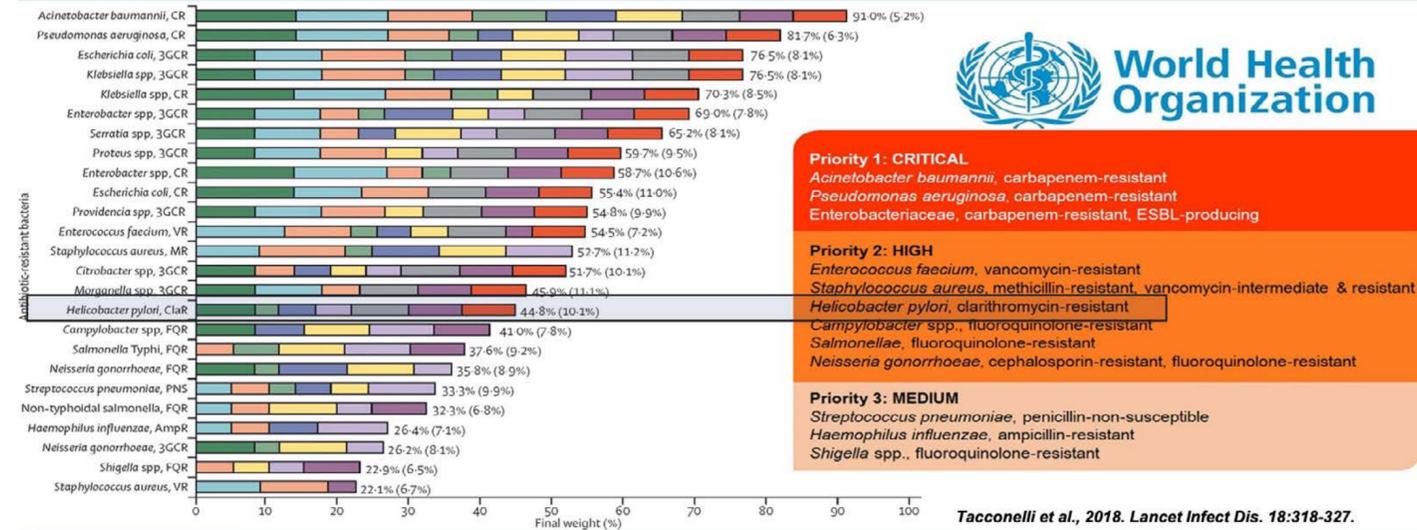
Batteri resistenti agli antibiotici e funghi causano più di 2,8 milioni di infezioni e 35.000 decessi negli Stati Uniti ogni anno, ovvero almeno un'infezione ogni 11 sec e un decesso ogni 15 min.

Addressing AMR fits within the Global Fund's strategy

#ForumRisk18

www.forumriskmanagement.it

Nel 2017, l'Organizzazione Mondiale della Sanità ha pubblicato un elenco di batteri resistenti agli antibiotici che rappresentano la più grave minaccia per la salute dell'uomo.



#ForumRisk18



www.forumriskmanagement.it





21-24 NOVEMBRE 2023
AREZZO FIERE E CONGRESSI



Nella sfida globale per l' eradicazione di *H. pylori* il problema dell'antibiotico resistenza costituisce una delle principali preoccupazioni.

PLOS ONE

Helicobacter pylori resistance to antibiotics before and after treatment: Incidence of eradication failure

Oddmund Nestegard¹, Behrouz Moayeri, Fred-Arne Halvorsen, Tor Tennesen, Sveinung Wergeland Sorbye, Eyvind Paulssen, Kay-Martin Johnsen, Rasmus Goll, Jon Ragnar Florholmen, Kjetil K. Melby



Characteristics of *Helicobacter pylori* Heteroresistance in Gastric Biopsies and Its Clinical Relevance



Helicobacter pylori infection and antibiotic resistance - from biology to clinical implications

Evariste Tshibangu-Kabamba¹, Yoshio Yamaoka^{2,3}



Gastroenterology ▶ **aga**
 Prevalence of Antibiotic Resistance in Helicobacter pylori: A Systematic Review and Meta-analysis in World Health Organization Regions

Alessia Savoldi¹, Elena Carrara², David Y Graham³, Michela Conti², Evelina Tacconelli⁴

WGO GUIDELINE

Helicobacter pylori World Gastroenterology Organization Global Guideline

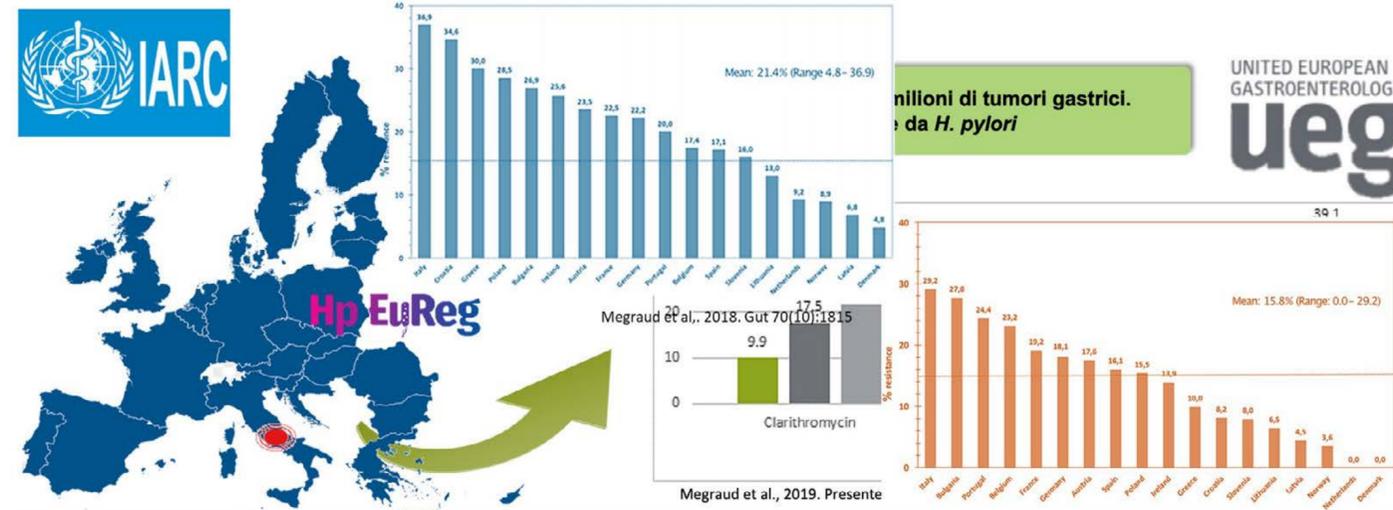
Katelaris, Peter MD¹; Hunt, Richard MD²; Bazzoli, Franco MD³; Cohen, Henry MD⁴; Fock, Kwong Ming MD⁵; Gemilyan, Manik MD⁶; Malferttheiner, Peter MD⁷; Mègraud, Francis MD⁸; Piscoya, Alejandro MD⁹; Quach, Duc MD¹⁰; Vakil, Nimish MD¹¹; Vaz Coelho, Louis G. MD¹²; LeMair, Anton MD¹³; Melberg, Jim MA¹⁴

#ForumRisk18



www.forumriskmanagement.it

In tutto il mondo 4,4 miliardi di persone sono affette da *H. pylori*. Monitorare l'andamento della suscettibilità antibiotica è essenziale per ridurre l'impatto della resistenza sull'efficacia dei vari trattamenti di eradicazione.



#ForumRisk18

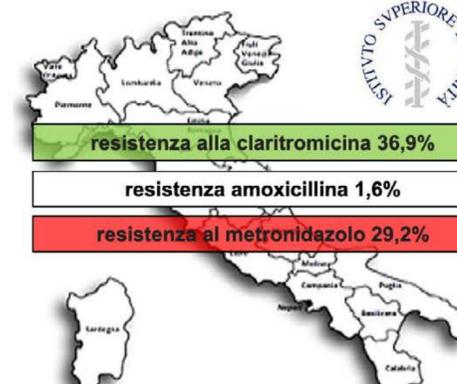


www.forumriskmanagement.it

Infezioni Correlate a *Helicobacter pylori*: la situazione Italiana

A livello europeo, l'Italia è uno dei paesi con la più alta la prevalenza della resistenza sia primaria che secondaria (>15%) di ceppi *H. pylori* resistenti a claritromicina, metronidazolo e levofloxacina.

Antibiotic	Method	Year	Resistance %	Region
Clarithromycin	Culture on biopsy	2020	83.1% in 2009-2019	Emilia-Romagna
Clarithromycin	Culture on biopsy-PCR on isolates	2020	83.9% in 2017-2018	Puglia
Clarithromycin	RT-PCR on stools	2020	64.8% in 2017-2020	Puglia
Clarithromycin	Culture on biopsy-RT-PCR on isolates	2018	50% (not indicated the years)	Lazio
Clarithromycin	Culture on biopsy-RT-PCR on isolates	2020	35% with phenotypic methods, 42.5% with genotypic methods (not indicated the years)	Lazio
Metronidazole	Colture on biopsy	2020	66,7% nel 2009-2019	Emilia-Romagna
Metronidazole	Colture on biopsy-PCR on isolates	2020	64,5% nel 2017-2018	Puglia
Metronidazole	Colture on biopsy-RT-PCR on isolates	2018	68% (non indicati gli anni)	Lazio
Amoxicillin	Colture on biopsy	2020	6,5% nel 2017-2018	Puglia
Amoxicillin	Culture on biopsy-PCR on isolates	2020	1,25%	



25 milioni gli italiani affetti da *H. pylori*
La presenza dell'infezione aumenta di 6 volte il rischio tumore allo stomaco

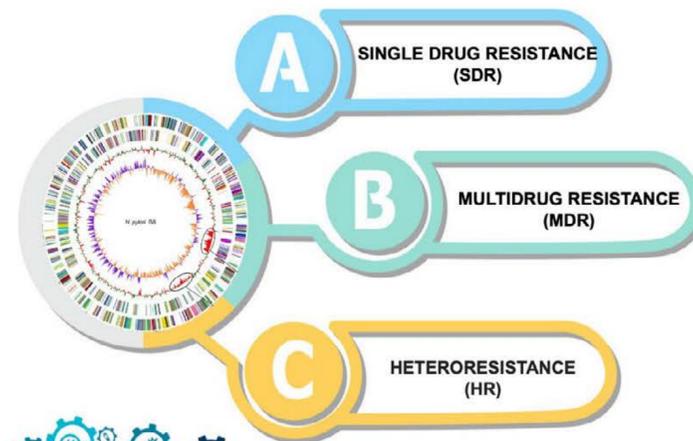
Nista et al., 2022. *Antibiotics* 11(10):1452

#ForumRisk18

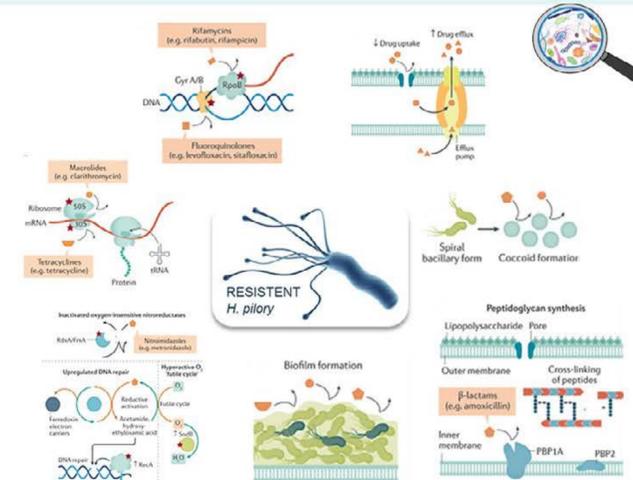


www.forumriskmanagement.it

H. pylori mostra tre diversi profili di resistenza: oltre i meccanismi molecolari altri fattori biologici, meno investigati, sembrano essere coinvolti nella resistenza e questo implica cambiamenti fisiologici più complessi.



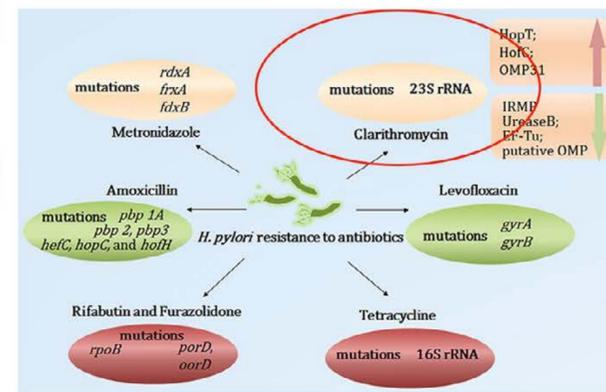
#ForumRisk18



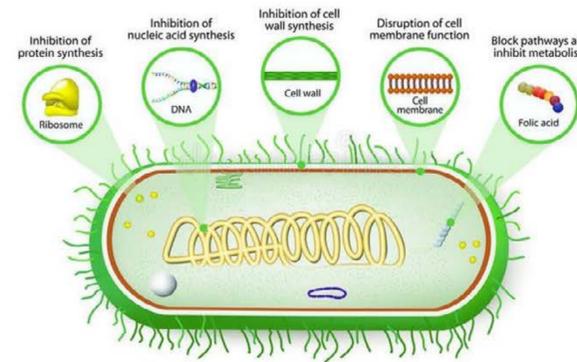
www.forumriskmanagement.it

STRUCTURAL AND MOLECULAR INSIGHT INTO THE MECHANISM OF RESISTANCE

I meccanismi molecolari alla base della resistenza sono legati a delle mutazioni cromosomiche che provocano dei cambiamenti conformazionali dei target dell'antibiotico, interrompendone l'attività.



MECHANISMS OF ANTIBIOTIC ACTION



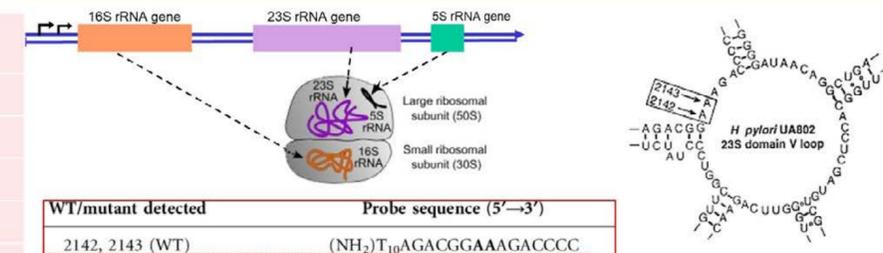
#ForumRisk18



www.forumriskmanagement.it

La claritromicina è un macrolide chiave nei regimi standard di terapia per l'eradicazione dell'infezione da *H. pylori*. La maggior parte dei ceppi resistenti alla claritromicina presenta mutazioni puntiformi nella regione peptidiltransferasi del dominio V dell' rRNA 23S.

Nucleotide position	Ref	Mutation	Hpbs1
2143	A	G	+
2142	A	G	+
2144	G	T	+
2302	A	G	-
2182	T	C	-
2173	C	T	+
1513	G	A	-
2196	C	T	+
1280	A	G	+
1023	G	A	-



WT/mutant detected	Probe sequence (5'→3')
2142, 2143 (WT)	(NH ₂)T ₁₀ AGACGGAAAGACCCC
A2142G	(NH ₂)T ₁₀ CAAGACGGGAAGACC
A2142C	(NH ₂)T ₁₀ AGACGGCAAGACCCC
A2142G, A2143G	(NH ₂)T ₁₀ CAAGACGGGGAGACC
A2142G, A2143C	(NH ₂)T ₁₀ CAAGACGGGCAGACC
A2143G	(NH ₂)T ₁₀ AAGACGGAGAGACCCC
A2143C	(NH ₂)T ₁₀ AAGACGGAGAGACCCC
A2142C, A2143G	(NH ₂)T ₁₀ CAAGACGGCGAGACCCC
2224 (WT)	(NH ₂)T ₁₀ AAGTAAAGGCTTTGGCT
A2142C, A2143C	(NH ₂)T ₁₀ CAAGACGGCCAGACCCC
G2224A	(NH ₂)T ₁₀ AAGTAAAGGCTTTGGCT

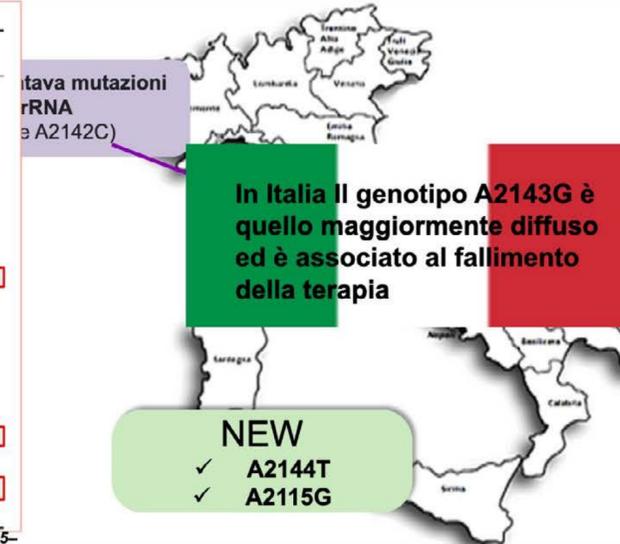
#ForumRisk18 www.forumriskmanagement.it

Conoscere i genotipi maggiormente diffusi è necessario sia a scopi epidemiologici che per elaborare una terapia personalizzata del paziente.

Table I. Clinical characteristics of patients and clarithromycin resistance.

Genotype	No of patients	Sex (Male/Female)	Age (Mean ± SD)	Disease (NUD/PUD)*	Resistance N (%)	
Northern Italy						
Clarithromycin S	Lombardia	22	8/14	58.9±16.4	14/8	3 (13.6%)
No mutation	Liguria	15	7/8	56.5±13.5	14/1	1 (6.7%)
R	Veneto	16	7/9	48.5±15.1	16/0	1 (6.3%)
WT + mutation	Emilia Romagna	10	4/6	47.5±16.0	8/2	0 (0.0%)
Mutation	Central Italy					
Single mutation	Toscana	20	8/12	57.9±14.7	19/1	3 (15%)
A2143G	Abruzzo	28	10/18	48.9±12.1	24/4	2 (7.1%)
A2143G/A2142C	Lazio	21	11/10	55.2±11.9	14/7	2 (9.5%)
Double mutation	Southern Italy					
A2143G/A2142C	Calabria	20	10/10	48.8±15.4	14/6	2 (10.0%)
A2143G/A2142C	Campania	19	10/9	54.4±19.0	19/0	2 (10.5%)
A2143G/A2142C	Basilicata	20	11/9	49.0±15.1	16/4	0 (0.0%)
Mutation	Puglia	21	6/15	52.8±15.4	19/2	4 (19.1%)
Mutation	Sardinia	21	11/10	46.1±15.2	15/6	0 (0.0%)
Mutation	Sicily	20	11/9	44.6±18.7	17/3	5 (25.0%)
Palmieri et al., 2011	Overall	253	114/139	51.5±15.6	209/44	25 (9.9%)

De Francesco et al., 2011 J. Gastrointest. Liver Dis. 20:235-239

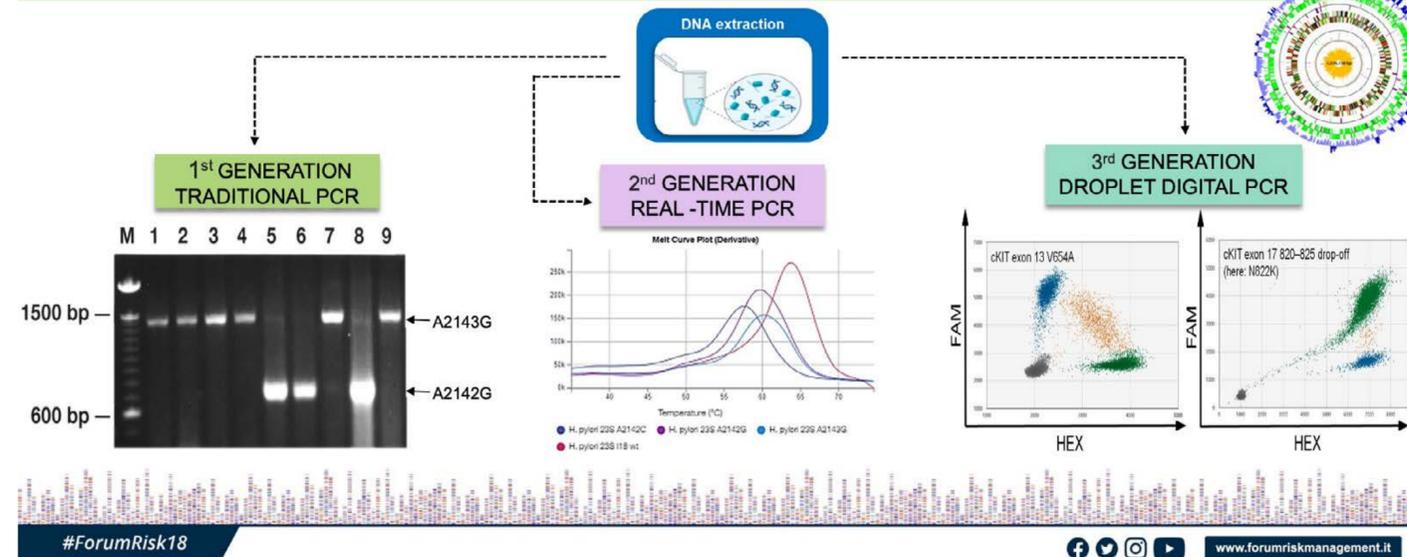


#ForumRisk18

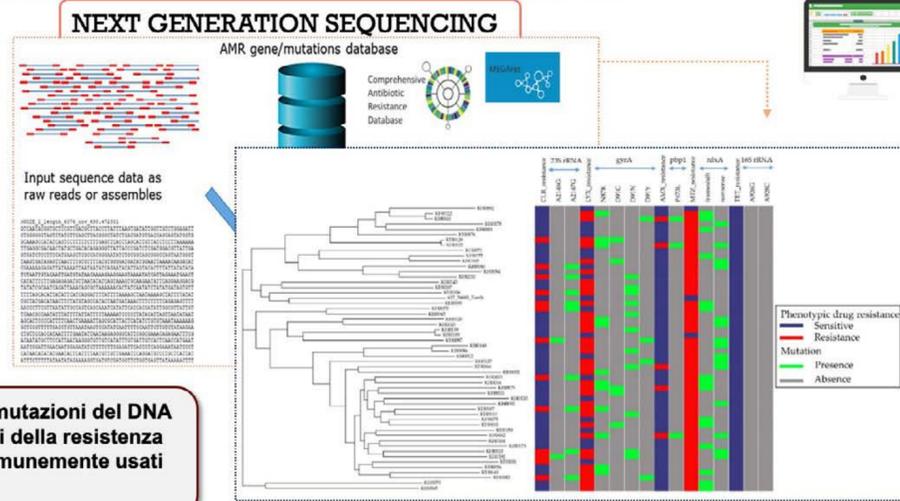
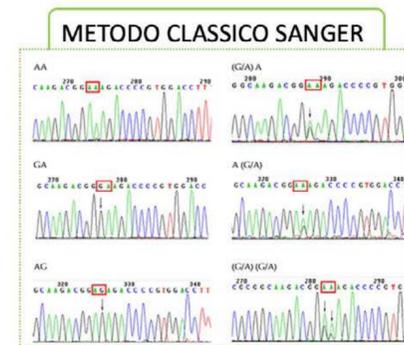


www.forumriskmanagement.it

Amplificando i geni responsabili della resistenza agli antibiotici, è possibile ottenere dati di suscettibilità genotipica per tutti gli antibiotici di potenziale utilizzo, senza la necessità di eseguire un antibiogramma.



L'approccio basato sul sequenziamento di nuova generazione (NGS) fornisce uno strumento completo, accurato, economico e veloce per la sorveglianza delle malattie, la previsione della resistenza ai farmaci e l'analisi evolutiva delle malattie infettive.



Si possono identificare simultaneamente mutazioni del DNA o variazioni dei geni *H. pylori* responsabili della resistenza per tutti gli antimicrobici anti-*H. pylori* comunemente usati

Tuan et al., 2019. Clinical Medicine 8(6):858.

#ForumRisk18

f t i y www.forumriskmanagement.it

Antimicrobial resistance is a global crisis. There is no time to wait.



#ForumRisk18





www.forumriskmanagement.it



Delitti in materia di violazione del diritto d'autore (Art. 25-novies, D.Lgs. n. 231/2001) [articolo aggiunto dalla L. n. 99/2009]

- Messa a disposizione del pubblico, in un sistema di reti telematiche, mediante connessioni di qualsiasi genere, di un'opera dell'ingegno protetta, o di parte di essa (art. 171, legge n.633/1941 comma 1 lett. a) bis)
- Reati di cui al punto precedente commessi su opere altrui non destinate alla pubblicazione qualora ne risulti offeso l'onore o la reputazione (art. 171, legge n.633/1941 comma 3)
- Abusiva duplicazione, per trarne profitto, di programmi per elaboratore; importazione, distribuzione, vendita o detenzione a scopo commerciale o imprenditoriale o concessione in locazione di programmi contenuti in supporti non contrassegnati dalla SIAE; predisposizione di mezzi per rimuovere o eludere i dispositivi di protezione di programmi per elaboratori (art. 171-bis legge n.633/1941 comma 1)
- Riproduzione, trasferimento su altro supporto, distribuzione, comunicazione, presentazione o dimostrazione in pubblico, del contenuto di una banca dati; estrazione o reimpiego della banca dati; distribuzione, vendita o concessione in locazione di banche di dati (art. 171-bis legge n.633/1941 comma 2)
- Abusiva duplicazione, riproduzione, trasmissione o diffusione in pubblico con qualsiasi procedimento, in tutto o in parte, di opere dell'ingegno destinate al circuito televisivo, cinematografico, della vendita o del noleggio di dischi, nastri o supporti analoghi o ogni altro supporto contenente fonogrammi o videogrammi di opere musicali, cinematografiche o audiovisive assimilate o sequenze di immagini in movimento; opere letterarie, drammatiche, scientifiche o didattiche, musicali o drammatico musicali, multimediali, anche se inserite in opere collettive o composite o banche dati; riproduzione, duplicazione, trasmissione o diffusione abusiva, vendita o commercio, cessione a qualsiasi titolo o importazione abusiva di oltre cinquanta copie o esemplari di opere tutelate dal diritto d'autore e da diritti connessi; immissione in un sistema di reti telematiche, mediante connessioni di qualsiasi genere, di un'opera dell'ingegno protetta dal diritto d'autore, o parte di essa (art. 171-ter legge n.633/1941)
- Mancata comunicazione alla SIAE dei dati di identificazione dei supporti non soggetti al contrassegno o falsa dichiarazione (art. 171-septies legge n.633/1941)
- Fraudolenta produzione, vendita, importazione, promozione, installazione, modifica, utilizzo per uso pubblico e privato di apparati o parti di apparati atti alla decodificazione di trasmissioni audiovisive ad accesso condizionato effettuate via etere, via satellite, via cavo, in forma sia analogica sia digitale (art. 171-octies legge n.633/1941).

[Torna all'inizio](#)